

## Requisição de Análise de Estrutura Cristalina por Difração de Raios X em Monocristal

### Identificação do usuário

Nome: \_\_\_\_\_

Data: \_\_/\_\_/\_\_\_\_

Instituição: \_\_\_\_\_

Orientador: \_\_\_\_\_

E-mail para receber os dados/resultados da análise:

### Identificação da amostra

Código/nome\*: \_\_\_\_\_ Fórmula empírica/massa molar\* \_\_\_\_\_

\* caso se tratar de amostra de proteína.

Solvente utilizado para cristalizar/recristalizar: \_\_\_\_\_

A amostra é estável ao ar?

Sim  Não

Caso necessário o uso de nitrogênio líquido, será cobrada uma taxa extra.

Esquema com descrição da reação:

*Incluir reagentes utilizados, proposta de estrutura para a amostra e outras informações relevantes, como constantes de cela de precursores ou possíveis coprodutos que tenham estrutura cristalina conhecida. Para amostra de proteína, incluir condições de cristalização (tampão, sal, agente precipitante, etc.) e código PDB, no caso de haver proteína relacionada com estrutura resolvida.*

### Termo de compromisso

Opção do solicitante (marcar uma das duas):

- Os cristais serão entregues montados pelo usuário, que fará também o processamento dos dados coletados, com o compromisso de agradecer à FAPESP (2009/54011-8) pelo apoio recebido ao divulgar resultados da análise através de artigos, teses, dissertações, etc., informando as citações dos mesmos através do email [drx@iqsc.usp.br](mailto:drx@iqsc.usp.br).
- O usuário solicita a montagem dos cristais e o processamento dos dados coletados, na forma de trabalho em conjunto.

\_\_\_\_\_  
Assinatura do Orientador